





図2 今季国内の家禽及び一部地域野鳥由来H5N8亜型HPAIVの遺伝子型の県別分布図

家禽での発生は茨城県から鹿児島県でみられ、①、②、③及び⑤の4種類の遺伝子型のウイルスが分離されています。野鳥では、①、③、④及び⑤の遺伝子型のウイルスが分離されています。

出典：農研機構動物衛生研究部門

本原稿を執筆している最中に『栃木県芳賀町での中規模採卵農場に疑似患畜発生』との連絡があつた。

正直、2月25日の宮崎県都城市におけるブロイラー事例から3月13日まで、およそ3週間発生がなかつたことから『ようよう、今季の発生も治まつたか?』と思いつ始めたところへの連絡に、少なからずガッカリした。

この事例の前に、栃木近隣域(アヒル由来を類推される千葉県の発生を除く)で発生したのは、2月2日の茨城県城里町の84万羽農場である。ここからの波及であれば、フレールドの何処かに隠れていたウイルスが2週間後に姿を顕したことになる。

## 栃木県波賀町での発生

場の著者にとつても、心痛む毎日である。  
どのような対策・対応法があるのだろ  
うかと、今季が始まつて以来、これまで考  
え続けているが妙案は

出でこない。『バイオセキユリティを確実にしてください』とお願いするのやさしい。しかし、今回のようバイオセキュリティで解決しない、と思われる事例が頻発ですね。

ば、建前だけの話は所詮部外者の戯言、と生産される方々の失笑を招くことになるのでは…。さりとて、妙案はなかなか出てこない!! 著者も、対策・対応に呻吟する1人として、この問題を《我がこと》と定めて日夜思い悩んでいる。

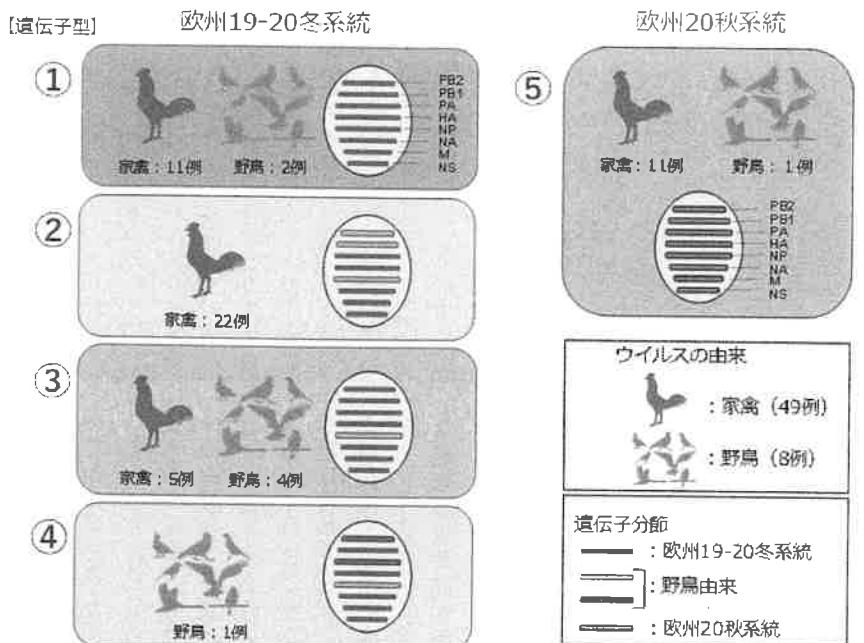


図1 分節の遺伝子系統樹解析に基づく今季H5N8亜型高病原性鳥インフルエンザウイルスの遺伝子型

亜型を決定する遺伝子分節(HA及びNA)により2系統に分類され、その他の遺伝子分節の組み合わせにより、計5種類の遺伝子型に分類されます。

出典：農研機構動物衛生研究部門

- ・ウイルス感染が私見通り、即ち次のように推測を立ててみた  
十葉県のアヒルにおけるHPAIVの感染状況
- 当度に早かった（12月中旬）ならば、感染アヒル体内でウイルスが変異することは可能
- ・この変異ウイルスが環境に拡散され、季節風等の環境条件やバイオセキュリティの空などを経て、運悪く養鶏場へ侵入
- ・通常より病原性が低下している、今季のウイルスは鶏体内でも増殖しながらも直ちに致死的とならず、相当量のウイルスを排出（後述）
- ・このウイルスが強制排気で外気へ
- ・さらに季節風等の環境条件で拡散
- このようなストーリーが成立していたとすれば、先に紹介した第6回日本養鶏産業研究会で紹介した韓国における伝染・拡散の状況に極めて近似する。

今季のH.P.A.I.は3月12日時点で、『57例の発生、980万羽を超える淘汰』と、これまでにない激甚な被害を業界に与えた。影のように忍び寄るこのウイルスがどのように活動しているのか、皆自分が知らない中で養鶏を営む方々の心労を思う時、関連するしかも鶏病を監視する立

いと思われる。それを防止する意味で、アヒル感染の第1例確認と同時に、全国各地に届けられていたアヒルヒナのすべてを殺処分した当時の迅速な対応は、的を射たものとして、大いに評価されよう。

今季のウイルスの病原性が通常に比してやや弱いことが、同じく農研機構動物衛生研究部門の研究で明らかにされている（注3）。

このウイルスの病原性が低下していることが、今季の激しい拡散で1000万羽にも及ぼうという膨大な淘汰数に寄与している可能性を考えれば、今後のわが国におけるHPAI 対策には新しい局面が要求されるようを感じられてならない。



また、万が一『留鳥（カルガモ・放し飼いアヒルやその他の野鳥類）が汚染され、さらに留鳥同士で増幅しあう』といった事態が原因となつてゐるのであれば、昨年10月末以降4カ月が過ぎた今、野鳥の間で感染のやり取りが活発に起きていると考えねばならない。い。

このいづれにしても、底知れぬH.P.A.Iウイルスの蠢動に、そら恐ろしい思いを覚える。